UTILISATION DES ENZYMES DE RESTRICTION AVEC ANAGENE Version 2

	Les icônes de la barre d'outils														Numérotation d'une séquence				
Fichi	er E	dition	Traite	r O	ptions	Fenêt	re Ai	de										50 60 Échelle de repérage	
ø		đ			9	X		C	×	17	ATGC -C	*	DOT PLOT	0	AUG	Allec		AAGCAAGAATAAT	
1	2 Ban	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15 Gran	16 biguo	17 do	18	189 192 L'III Échelle de repérage des acides aminés 1Thr ValPtoSerSerThr T Attention au décalage Cliquer pour changer d'échelle des numéros.	
2. 3	Thè	nes (nes (d'étud	les t	1003	, 8 9	. Co . Co	upei pier Iler					14.	resse	embla	nces	la	Cliquer sur l'échelle pour passer de l'échelle des nucléotides à celle des acides aminés.	
0.	documents 10.Effacer ligne pointée												ée		Utiliser le curseur				
4. 5. 6.	Voir le classeur11. Convertir les16. Code génétiqueEnregistrerséquences17. Grand curseurImprimer12. Comparer les18. Fermer toutes les										s	Surligner pour sélectionner la partie de la séquence choisie. Cliquer sur l'icône «grand curseur».							
0.	séquences fenêtre													•	Bulles d'aide				
	13. Action enzymatique																Une bulle d'aide s'affiche sur l'objet pointé par le curseur de la souris		
	Sélectionner une séquence																Traiter par action enzymatique		
 Cliquer sur le bouton de sélection. La séquence sélectionnée Bélection enzymatique puis sélection enzymatique puis sélectis enzymatique puis sélection enzymatique puis sélection enzyma													nner au préalable les séquences d'ADN. / Action enzymatique» puis sélectionner les 6 dans la banque ou par «Fichier». e type de représentation : graphique pour obtenir la 5 sites de restriction et/ou tableau du nombre de						
	Représenter graphiquement des sites de restriction															Mode d'affichage de la carte de restriction			
La «rep La «rep enzyme	a «représentation graphique» affiche la carte de restriction. a «représentation tableau» affiche le nombre de sites de restriction pour plusieurs enzymes.													L F g	Les sites de restriction s'affichent en rouge. Pour observer le mode de coupure de l'enzyme, faire glisser le curseur vert sur le trait rouge matérialisant la				
					С	ompa	arer l	es sé	éque	nces						lo	localisation du site de restriction.		
 La séquence référence est toujours celle qui est placée en premier : une «comparaison par alignement» qui permet de comparer avec discontinuités, en éliminant les décalages résultant de délétion(s) ou d'insertion(s) une «comparaison simple», point par point des séquences sans aucun alignement. 																			